



Metagenómica fúngica

Conoce el perfil fúngico de una muestra secuenciando el espaciador transcrito interno (ITS), secuencias ampliamente utilizadas en taxonomía y filogenia molecular. El servicio incluye la utilización de protocolos de extracción de DNA específicos para hongos, preparación de librerías, secuenciación mediante tecnología Illumina Miseq 300x2 y análisis bioinformáticos y estadísticos. Garantizamos la robustez y consistencia de nuestra pipeline mediante la incorporación de controles (negativo y *Mock Community*) a lo largo del proceso. Durante todo el servicio garantizamos un soporte constante aportando dos informes intermedios y uno final.

DIRIGIDO A

Agricultura y ganadería. Caracterización del microbioma asociado a plantas. Análisis de interacciones fúngico-bacterianas: micorrizas y endófitos. Efecto de pre y probióticos en el fungoma animal. Detección de potenciales patógenos en cultivos vegetales.

Salud: Clínicas, hospitales y farma. Diagnóstico clínico: Informes personalizados (intestinal, oral, vaginal) dirigidos a pacientes. Clínicas odontológicas: Monitorización de patógenos bucodentales. Identificación de biomarcadores de interés.

Industria de bienes de consumo. Monitorización de productos biofermentados. Crisis profilácticas: Zoonosis y patógenos humanos.

Centros de investigación. Estudios ambientales: oceánicos, suelos, aguas continentales. Detección de biomarcadores y estudios ambientales. Perfiles microbianos asociados a diferentes ambientes. Interacciones simbióticas.

NUESTRO COMPROMISO

Asesoramiento y *expertise* durante el diseño experimental.

Alta cobertura y calidad para tus secuencias.

Validación con *softwares* y *pipelines* específicos.

Informe personalizado y rápida entrega de resultados (8 semanas).

CARACTERÍSTICAS TÉCNICAS DEL SERVICIO

El servicio 360º de Microomics está dirigido a proporcionar un soporte integral y personalizado en las diferentes etapas de tu proyecto. El servicio incluye dos informes intermedios, un informe final y asesoramiento en la interpretación de resultados.

Extracción y cuantificación de ADN. Se utilizará un protocolo de extracción de ADN que mejor se ajuste al tipo de muestra.

Amplificación por PCR. Se realizará una amplificación espaciador transcrito interno (ITS) fúngico.

Preparación de librerías y ultrasecuenciación de ADN. Se utilizará la tecnología Illumina Miseq obteniendo secuencias *paired ends* (300x2 pb).

Análisis bioinformático y estadístico. Se utilizarán *softwares* y *pipelines* específicos para la evaluación de calidad de secuencias, estimación de diversidad (alfa y beta) y afiliación taxonómica. Se realizarán comparaciones entre grupos experimentales utilizando test estadísticos apropiados.

ENVÍANOS TUS MUESTRAS

Para más información sobre las condiciones de envío de tus muestras ponte en contacto con nosotros a través de la siguiente dirección de correo electrónico services@microomics.eu o si lo prefieres llámanos al teléfono (+34) 933 16 02 94.