



Transcriptómica (RNAseq)

Determina los genes que se están expresando en un organismo o comunidad (meta-transcriptómica) mediante la secuenciación de su mRNA: el transcriptoma. Empleando la aproximación RNAseq secuenciamos el transcriptoma con tecnología Illumina Hiseq 2500 evaluando los niveles de expresión diferencial de los genes en distintas condiciones experimentales o ambientes. Por medio de un análisis transcriptómico, nuestros clientes pueden caracterizar funcionalmente procesos industriales o aislar nuevas actividades enzimáticas.

DIRIGIDO A

Agricultura y ganadería. Efecto funcional de pre y probióticos en animales. Desarrollo y estudio funcional del efecto de fertilizantes de nueva generación. Efecto de agentes de control biológico activos sobre cultivos vegetales. Evaluación funcional de la fertilidad del suelo. Efecto de patógenos activos sobre cultivos vegetales.

Salud: Clínicas, hospitales y farma. Monitorización y efecto de pre y probióticos. Monitorización funcional de dietas sobre la salud humana. Caracterización de resistomas activos.

Industria de bienes de consumo. Monitorización de actividades microbianas en productos biofermentados. Detección de biomarcadores. Caracterización de actividades enzimáticas relevantes para la industria.

Centros de investigación. Estudios funcionales de enfermedades humanas: Obesidad, diabetes, Crohn y celiaquía, entre otras. Perfiles de actividades funcionales en estudios ambientales: océanos, suelos, aguas continentales. Detección de biomarcadores y actividades enzimáticas. Ensayos funcionales con pre y probióticos.

NUESTRO COMPROMISO

Asesoramiento durante el diseño experimental.

Alta cobertura y calidad para tus secuencias.

Validación con *software* y *pipelines* dedicados.

Informe personalizado y rápida entrega de resultados.

CARACTERÍSTICAS TÉCNICAS DEL SERVICIO

El servicio 360º de Microomics está dirigido a proporcionar un soporte integral y personalizado en las diferentes etapas de tu proyecto de NGS. El servicio incluye dos informes intermedios y un informe final.

Extracción de RNA y control de calidad. Se adaptará el protocolo de extracción de RNA que mejor se ajuste al tipo de muestra. Se realizará un control de calidad para evaluar la integridad del RNA de la muestra.

Preparación de librerías y ultrasecuenciación de ADN . Se utilizará la tecnología Illumina HiSeq 2500 obteniendo secuencias *paired ends* (125x2 pb).

Análisis bioinformático. Se utilizarán *softwares* y *pipelines* específicos para evaluar la calidad de las secuencias. Se cuantificarán los niveles de expresión del transcriptoma total en cada una de las muestras. Se evaluarán las expresiones diferenciales y enriquecimientos funcionales para las distintas condiciones experimentales o ambientes.

ENVÍANOS TUS MUESTRAS

Para informarte sobre las condiciones de envío de tus muestras ponte en contacto con nosotros a través de la siguiente dirección de correo electrónico services@microomics.eu o si lo prefieres llámanos al teléfono (+34) 933 16 02 94.